

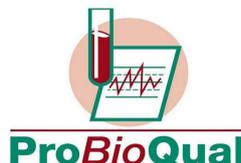
PRO.BIO.QUAL
9 rue Professeur Florence
69003 LYON - FRANCE

Tel : 33 (0)472653490

Fax : 33 (0)478859777

Courriel : secretariat@probioqual.com

http://www.probioqual.com



Centre lyonnais pour la **PRO**motion de la **BIO**logie
et du contrôle de **QUAL**ité

et de la FAEEQ

Coordonnateurs du programme : Régine CARTIER, Jean-Christophe EYNARD, Christine LOMBARD

Evaluation externe de la qualité

RAPPORT DEFINITIF

15/06/2015

PRO.BIO.QUAL Biochimie sérique

R03-CQH-ENR-152-01

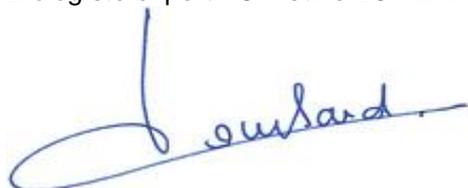
Sérum 15BA25

Commentaire général	
Echantillon	Sérum humain normal
Codages	Toujours des erreurs de codage pour la ferritine.
Remarques	Bonne participation : 1301 laboratoires Bons résultats dans l'ensemble.

Analytes	Commentaire sur les résultats
α 1 antitrypsine	Bons résultats, CV 5,3% toutes techniques et 96,1% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
α 2 macroglobuline	Bons résultats : 96,2% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
Albumine	Bons résultats avec 4,7% de CV toutes techniques et 90,6% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs. A noter des valeurs plus basses en spectrorélectométrie avec un biais à -15,1%.
Céruleoplasmine	Bons résultats malgré le faible effectif
Chaîne légère κ	Pas de note toutes technique. Bons résultats avec 94,6% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
Chaîne légère λ	Pas de note toutes techniques. Bons résultats : 91,9% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
Complément C3	Bons résultats avec 94,5% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
Complément C4	Bons résultats avec 5,4% de CV toutes techniques et 96,6% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
Cystatine	Valeurs plus élevées en turbidimétrie. Pas de standardisation.
CRP	99,4% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs. A noter : valeurs plus élevées avec le réactif Diagam (H8) et en spectrorélectométrie : 16,5 et 17,7 vs 7,8 toutes techniques .Pas de note par technique pour réactif Diasys (CV à 23,4 avec n=9) et Thermo (CV 21,2% avec n=13).

Facteur rhumatoïde	Pas de note toutes techniques : 2 populations correspondant aux deux grands groupes techniques (néphélométrie/turbidimétrie).
Ferritine	Mêmes remarques habituelles : dispersion des résultats en fonction des techniques. En revanche 97,3% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs. A noter: des valeurs plus basses en luminométrie P,Q. : 85 en moyenne vs 111 toutes techniques.
Haptoglobine	Très bons résultats avec un CV à 3,6% et 98,4% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs. A noter des valeurs plus basses sur Dimension avec un biais à -20,5%.
IgA/IgG/IgM	Très bons résultats : CV respectifs à 5,1%,3,7% et 4,8% avec 98,5%, 96,6% et 99,1% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
Orosomucoïde	Bons résultats : 98,2 % des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.
Préalbumine	A noter : valeurs plus élevées pour techniques HF (Vitros Fusion) et HD (Hitachi/Modular) avec des biais respectifs de 14,8% et 14,4% .
Protéines	Très bons résultats avec un CV à 2,8%.
Récepteurs solubles de la transferrine: rien n'a changé, toujours pas de standardisation	
RBP	Faible effectif mais bons résultats
Transferrine	Bons résultats avec un CV à 3,7% et 98,5% des résultats dans les limites acceptables par groupe de pairs.

Biologiste expert : Christine LOMBARD



15BA25 / CRP (mg/L)

Limites acceptables à $\pm 28,3\%$ (Ricos optimal)
Statistiques robustes (algorithme A - norme ISO 13528)

Groupes techniques/pairs	Codage	Histogramme	n	Cible	CV	E/M%	Limites
ENSEMBLE DES RESULTATS	B		1258	7,75	10,2		5,56 - 9,94 Note : B+ zscore 1,6 Biais 16,1%
IMMUNO-NEPHELEMETRIE	G		77	7,28	5,3	-6,1	5,22 - 9,34
--- Rf et App. Siemens (GA)	GA, G UH , DFJ		73	7,24	4,8	-6,6	5,19 - 9,29
dont App. Dimension Vista	GQ DFJ		71	7,25	4,8	-6,5	5,20 - 9,30
IMMUNO-TURBIDIMETRIE	H		1115	7,70	9,3	-0,6	
--- Rf Abbott (HJ) - App Architect	HJ DZH, DZI, DZG		162	8,00	2,6	3,2	5,74 - 10,26
--- Rf Beckman (HK)	HK		75	7,38	6,6	-4,8	5,29 - 9,47
--- Rf Beckman (HK) App DxC600	HK DCP		39	7,49	6,1	-3,4	5,37 - 9,61
--- Rf Beckman (HK) App DxC600	HK DCQ		34	7,20	5,4	-7,1	5,16 - 9,24
--- Rf Diagam (H8)	H8		11	16,49	8,3	112,8	11,82 - 21,16
dont App. Vitros	H8 FK		9	16,66	7,6	115,0	11,95 - 21,37
--- Rf. Diasys (HT)	HT		9	8,04	23,4	3,7	
--- Rf/App Beckman AU system (H6)	H6 DE		142	8,34	4,6	7,6	5,98 - 10,70
--- Rf Roche (HD) - App Hitachi/Modular	HD DW		25	7,16	3,8	-7,6	5,13 - 9,19
--- Rf Roche (HZ) - App Integra	HZ DQH, DQI, DQL		83	7,55	6,4	-2,6	5,41 - 9,69
--- Rf Roche (HZ) - App Cobas c	HZ DQP, DQR, DQN		423	7,16	3,4	-7,6	5,13 - 9,19
dont modules c501- c502	HZ DQP		367	7,17	3,4	-7,5	5,14 - 9,20
dont module c701	HZ DQR		52	7,12	3,3	-8,1	5,11 - 9,13
--- Rf Roche (HZ) - App Cobas c111	HZ DQC		22	8,29	5,8	7,0	5,94 - 10,64
--- Rf Siemens (HE) - App Advia	HE DTL, DTY, DTM		70	8,82	6,5	13,8	6,32 - 11,32
--- Rf Siemens RCRP (HQ) - Dimension	HQ		70	8,36	4,5	7,9	5,99 - 10,73 Note : TB zscore 1,7 Biais 7,7%
--- Rf/App. Thermo Scientific (HY)	HY DB		13	8,71	21,2	12,4	
SPECTROREFLECTOMETRIE - Rf et App. Vitros	3K FK		62	17,66	11,6	127,9	12,66 - 22,66

< <3,20 2,28 7,75 13,23 18,70 >

15BA25 / Protéines (g/L)

Limites acceptables à $\pm 5,0\%$ (ProBioQual taux moyen)
Statistiques robustes (algorithme A - norme ISO 13528)

Groupes techniques/pairs	Codage	Histogramme	n	Cible	CV	E/M%	Limites
ENSEMBLE DES RESULTATS	A		1188	53,05	2,8		50,40 - 55,70 Note : +1 zscore 2,6 Biais 7,3%
BIURET SANS IODURE DE POTASSIUM	T		206	53,99	2,7	1,8	51,29 - 56,69
--- Rf Beckman DXC 600 (TM)	TM DCP		33	53,44	2,4	0,7	50,77 - 56,11
--- Rf Beckman DXC 800 (TM)	TM DCQ		38	52,00	2,2	-2,0	49,40 - 54,60
--- Rf Siemens (TD) - App. Dimension	TD DF		66	54,64	2,2	3,0	51,91 - 57,37 Note : B+ zscore 1,9 Biais 4,1%
--- Rf Siemens (TD) - App. Vista	TD DFJ		68	54,51	1,3	2,8	51,78 - 57,24
BIURET AVEC IODURE DE POTASSIUM	W		915	52,91	2,6	-0,3	50,26 - 55,56
--- Rf Abbott (W9) - App. Architect	W9 DZH, DZI, DZG		156	52,13	2,7	-1,7	49,52 - 54,74
--- Rf Diasys (WF)	WF		7	53,60	3,6	1,0	50,92 - 56,28
--- Rf/App Beckman AU system (WP)	WP DE		140	52,78	2,4	-0,5	50,14 - 55,42
--- Rf Roche (WD) - Hitachi/Modular	WD DW		23	53,20	3,1	0,3	50,54 - 55,86
--- Rf Roche (WN) - App. Integra	WN DQH, DQI, DQL		72	53,35	3,2	0,6	50,68 - 56,02
--- Rf Roche (WN) - App. Cobas c	WN DQR, DQN, DQP		412	53,03	2,2	0,0	50,38 - 55,68
dont modules c501- c502	WN DQP		355	53,05	2,2	0,0	50,40 - 55,70
dont module c701	WN DQR		54	52,97	2,5	-0,2	50,32 - 55,62
--- Rf Roche (WN) - App. Cobas c111	WN DQC		10	54,44	3,4	2,6	51,72 - 57,16
--- Rf Siemens (WC) - App. Advia	WC DTL, DTY, DTM		71	53,57	2,1	1,0	50,89 - 56,25
--- Rf et App. Thermo Scientific (WV)	WV DB		11	52,04	4,9	-1,9	49,44 - 54,64
SPECTROREFLECTOMETRIE - Rf et App. Vitros	3K FK		67	52,27	2,5	-1,5	49,66 - 54,88
--- dont Vitros Fusion/5600	3K FKG, FKJ		47	52,24	2,5	-1,5	49,63 - 54,85

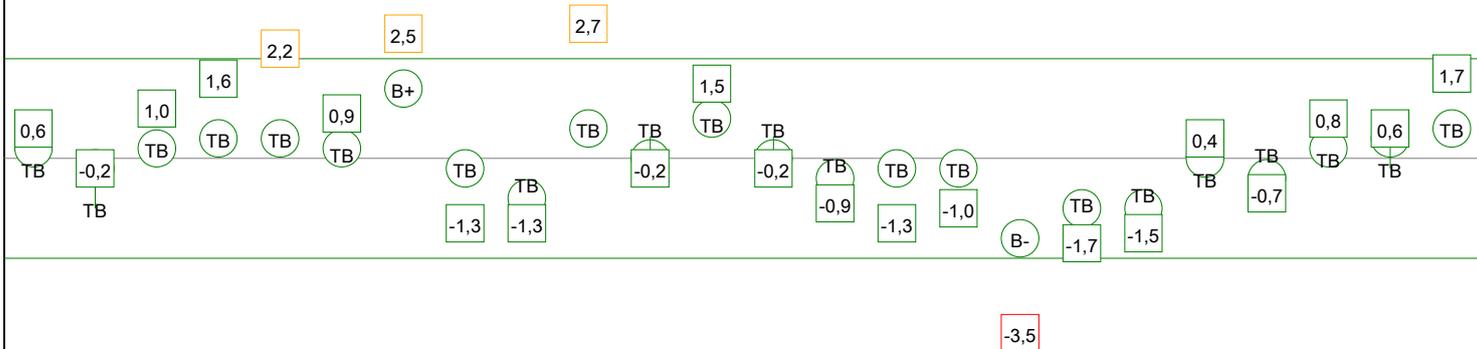
< 39,80 46,43 53,05 59,68 66,30 >

Suivi des notes et z-scores par rapport au groupe de pairs

R03-CQH-ENR-152-01

CRP

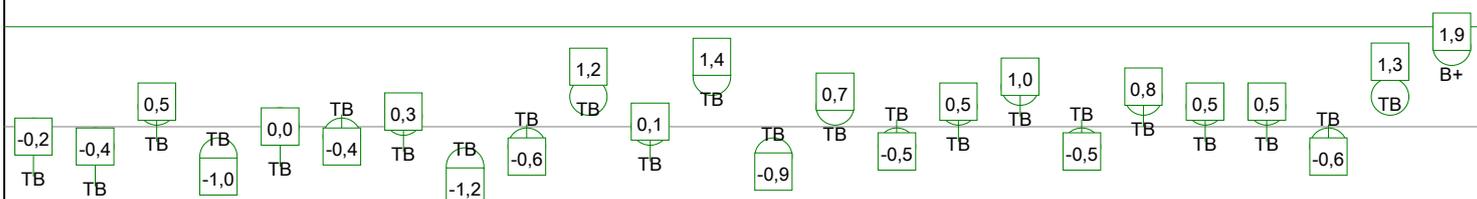
	N (tous)	LT CV	LT Biais	Incert.	Elargie	N (pairs)	LT CV	LT Biais.	Incert.	Elargie
Tout	20	8,9 %	6,7 %	11,1 %	21,8 %	23(24)	5,1 %	0,9 %	5,2 %	10,1 %
2013	7					7				
2014	10	8,1 %	4,5 %	9,3 %	18,2 %	10(11)	5,2 %	2,0 %	5,6 %	11,0 %
2015	3					6				



13BA05 13BA10 13BA15 13BA16 13BA20 13BA41 13BA46 14BA02 14BA06 14BA11 14BA14 14BA16 14BA21 14BA27 14BA31 14BA36 14BA39 14BA42 15BA03 15BA08 15BA09 15BA13 15BA19 15BA25

Protéines

	N (tous)	LT CV	LT Biais	Incert.	Elargie	N (pairs)	LT CV	LT Biais.	Incert.	Elargie
Tout	42	1,1 %	4,7 %	4,8 %	9,4 %	42	1,2 %	0,2 %	1,2 %	2,4 %
2013	15	1,1 %	4,1 %	4,3 %	8,4 %	15	1,1 %	0,2 %	1,1 %	2,2 %
2014	18	1,0 %	4,7 %	4,8 %	9,4 %	18	1,1 %	0,1 %	1,1 %	2,2 %
2015	9	1,1 %	5,4 %	5,5 %	10,7 %	9	1,3 %	1,2 %	1,7 %	3,4 %



14BA11 14BA12 14BA13 14BA15 14BA16 14BA21 14BA22 14BA26 14BA29 14BA32 14BA36 14BA37 14BA38 14BA42 14BA90 15BA02 15BA07 15BA12 15BA13 15BA18 15BA19 15BA23 15BA24 15BA25

Les z-score sont dans les carrés (ech. +- 4), les notes dans les cercles (ech. +- 2LA) - la note peut être décalée si elle est masquée par le z-score

Fin de rapport